**Část 2 - Rozšíření laboratoře HLA o možnost zápisu výsledků vyšetření genotypizace.**

Na požadavek genotypizace budou navázány dva pracovní listy:

• Izolace DNA

• Genotypizace.

Do těchto pracovních listů budou generovány žádanky s požadavkem genotypizace.

Pro zápis výsledků vyšetření genotypizace budou připraveny políčka odpovídající vybraným

znakům fentoypu. Výsledky systém umožní zapsat pro tyto položky

C, E, c, e, Cw, V, hrS,VS, hrB, K, k, Kpa,Kpb, Jsa, Jsb,Jka, Jkb, Fya, Fyb, M, N,S, s,U,Mia,

Dia, Dib, Doa,Dob, Hy, Joa, Coa, Cob,Yta, Ytb, Lua, Lub

Jednotlivé výsledky budou zadávány formou zápisu „POZ „ „NEG“

Po zápisu a uložení systém zapsané hodnoty rozparsuje do fenotypu, který se přenese do

referenčních imuno údajů osoby. Tyto výsledky zapsané v HLA laboratoři budou

zobrazovány v referenčních údajích pacienta při práci s žádankou TIS ve všech laboratořích v

sekci Imuno. V případě diskrepance mezi dříve vyšetřeným fenotypem a aktuálně zadanými

hodnotami vyšetření genotypování systém zobrazí upozornění o odlišnosti výsledku vyšetření s možností volby, zda má být fenotyp v referenčních údajích osoby přepsán

Na základě vyšetření systém umožní vykázat definované výkony pro pojišťovnu.

Pro tento typ vyšetření bude speciálně upravena výsledková zpráva, která nebude zobrazovat dílčí výsledky, ale predikovaný fenotyp vyšetřený na základě genotypizace.

Současně dojde k rozšíření struktury možného zápisu fentoypu o dosud neevidované znaky

V, hrS, VS, hrB, U, Mia – tyto znaky budou v případě vyšetření zařazeny nakonec

vyšetřeného řetězce fenotypu.